

**Porc (*Sus domesticus*) ou sanglier (*Sus scrofa*)**

<i>maxillaire</i>	couche	Espèce	Sexe	L prémol.	L P2-P4	DAP M2	DT M2	DAP M3	DT M3	DAP C
G88.J30.d6.35	37	porc	femelle	46,8	38,3	-	-	-	-	11,6
G89.J30.d11	37	porc	-	-	-	-	-	31,2	17,7	-
G88.J30.d13	37	porc	-	-	-	-	-	31,5	18,2	-
G89.I31.d10	37	porc	-	-	-	-	-	31,7	18,6	-
G89.J32.d12	37	porc	-	-	-	-	-	35,8	19,6	-
G94.I31.d14	37	porc	-	-	-	-	-	35,9	19,8	-
J30.d8.1	38	porc	-	-	-	cf21.2	17	33,5	19,2	-
K31.d18.7	38	sanglier?	-	-	-	cf24	19	-	-	-
K28.d8.4	39	sanglier	-	-	-	-	-	38,5	21,5	-
K26.d10.8	40-42	porc	-	-	-	-	-	31	18,5	-
L31.d16	46	porc	-	-	-	cf21.5	17,5	>=32.5	18,5	-

<i>mandibule</i>	couche	Espèce	Sexe	DAP M2	DT M2	DAP M3	DT M3	DAP C	DT C
G91.K31.d11	37	porc	-	-	-	34,1	15,5	-	-
G89.K31.d8	37	porc	-	-	-	34,2	16	-	-
G88.K30.d6.21	37	porc	-	-	-	37,9	>16.2	-	-
J32.d18.6	38	sanglier	-	cf24	16,5	41,5	cf18.5	-	-
IJ35	38	sanglier?	femelle	-	-	-	-	12,5	7,7
J30.d11.5	40	porc?	-	21,5	15	-	-	-	-
K21.d18.3	39-42	porc	femelle	-	-	-	-	cf11.5	cf8

<i>mandibule</i>	Espèce	Espèce	Etat	L D2-D4	DAP D4	DT D4	DAP M1	DT M1
J31.d18.7	38	Sus sp.	st6	36.2	-	-	-	-
L31.d11.9	38-39	Sus sp.	-	-	21	-	cf19	12,5
I29.d40	42	Sus sp.	-	-	17.7	9.1	-	-
K30.d14	42	Sus sp.	-	-	18.2	-	-	-
J26.d14	43	Sus sp.	-	-	17	8.5	-	-
K29.d14.3	44	Sus sp.	st9	-	-	8.5	-	-
L25.d28	44	Sus sp.	st1-2	-	17.5	8.3	-	-
L26.d32	46	Sus sp.	st17	36.2	19	8.5	15.5	11.5
J28.d16.5	46	Sus sp.	-	-	18.3	8.7	16.8	12.1
K26.d20.5	46	Sus sp.	st11-12	36.7	17.2	8.8	15.8	10.5
L28.d32a.21	46	Sus sp.	-	-	-	-	15.1	10.3

<i>scapula</i>	couche	Espèce	Ht épine	Ht diag.	Ldorsale	DAPcol	DAPart.	DAPglén.	DTglén.
G91.K32.d13.1	37	porc	-	-	-	24	-	24.7	26
G94.I31.d17.6	37	porc	-	-	-	24.1	-	-	-
L28.d32.13	46	sanglier	219	218	145	31.5	49	38.5	32

<i>humérus</i>	couche	Espèce	DTmd	DTD	DTt
G92.K15.d54.4	36 à 34	Sus sp.	cf19.2	42.7	32.1
G85.J21.d17.24	36 à 34	Sus sp.	cf19	44.6	38.7
G91.K31.d11.28	37	Sus sp.	15.9	-	-
G92.I29.d24.8	37	porc	cf16.1	40.7	28.2
G91.J31.d13.2	37	porc	17.4	cf40.3	28.5
L31.d11.11	38-39	porc	-	43.6	33.5
L29d16.16	40	sanglier	-	49	40
I30.d37.2	40	porc	15	38	32
L28.d19.1	41	porc	15.5	-	-
K21.d19.31	39-42	porc	-	38	33

<i>radius</i>	couche	Espèce	Etat	Lmax	DTP	DTmd	DTD	DTDart
G91.K17.d49.B1	36 à 34	porc	-	-	27.7	-	-	-
G91.H17.d48.1	36 à 34	porc	-	-	30.4	-	-	-

<i>radius</i>	couche	Espèce	Etat	Lmax	DTP	DTmd	DTD	DTDart
G91.K31.d11.31	37	porc	-	-	28.8	-	-	-
G91.J32.d8.4	37	porc	-	-	29.3	16.7	-	-
G88.K30.d6.2	37	sanglier	-	-	35	-	-	-
G91.J32.d8.21	37	sanglier	-	-	-	24	-	-
IJ33-34.d9	38	Sus sp.	-	-	25se	15.3	-	-
J31.d17.1	38	porc	-	-	31.8	19.2	-	-
I28.d42b.3	43	sanglier	ne	-	-	-	40	36.1
K26.d14.3	43	sanglier	ne	-	-	-	38	33.5
K27.d14.3	43	porc	-	-	28.2	cf18	-	-
L32.d16.4	46	porc	-	154	29.5	17.5	33.8	30.5
J28.d17	47	sanglier	-	-	38.5	-	-	-

<i>ulna</i>	couche	Espèce	DAPancon.	DAPoléc.	DTart.
G91.J16.d52	36 à 34	Sus sp.	-	cf29.1	-
G94.I31.d15.7	37	sanglier ?	37.7	29	21.1
G91.K32.d11.1	37	sanglier ?	40.7	-	23
G91.k31.d7.11	37	porc	-	-	20.9
J31.d19.26	38	porc	33	cf25	19
IJ35	38	sanglier	41.5	31.3	24.5
IJ35	38	Sus sp.	-	-	22.2
K29.d9.1	38	sanglier	-	-	24.5
J30.d11.3	40	sanglier	46.5	-	-
L25.d25.2	43	sanglier	56	-	30
J28.d17	47	sanglier	>42	-	29.7

<i>métacarpien II</i>	couche	Espèce	DTP	DTmd	DTD
G86.J29.d15	37	sanglier?	10.4	10.3	>12.8

<i>métacarpien III</i>	couche	Espèce	Lmax	DTP	DTmd
G91.K31.d11	37	porc?	-	-	cf14.4
K29.d10.2	40	sanglier	-	24	-
J22.d19.19	39-42	porc?	-	18	-
L31.d16.4	46	sanglier	82.5se	24.5	-

<i>métacarpien IV</i>	couche	Espèce	Etat	Lmax	DTP	DTmd	DTD
G91.L30.9.29	37	porc	eec	77.6	17.9	13.9	20.2
K24.d39	40	sanglier?	-	-	19.5	12.7	-

<i>métacarpien V</i>	couche	Espèce	Etat	Lmax	DTP	DTD	DTmd
G91.K15.d52.1	36 à 34	sanglier?	ne	>51	10,4	>15.3	10,7
K22.d18.41	39-42	porc	-	cf55	-	cf10	-

<i>coxa</i>	couche	Espèce	Etat	L acet.	Ht col	DT col
G92.K15.d53.01	36 à 34	porc	-	30,1	cf27	cf15
IJ33.d9	38	sanglier	-	>38	-	-
K22.d18.69	39-42	porc	-	32,5	24,5	13,5
L29.d32.6	46	sanglier?	J	35,3	22,8	-
L32.d16.6	46	porc?	-	cf34.5	cf25	(env.13)

<i>fémur</i>	couche	Espèce	Etat	DTP	DAP tête	DTD
G91.I16.d49.7	36 à 34	porc?	ne	53.3	25.4	-
G92.H18.d50.22	36 à 34	sanglier ?	ne	59.7	cf30	-
K26.d16.2	44	sanglier	-	-	-	56.5
L32.d16.5	46	porc	eec	57.2	27.5	-

<i>tibia</i>	couche	Espèce	Etat	DTP	DTmd	DTD	DAPD
G91.K16.d50.3	36 à 34	porc	eec	-	-	30,6	-
G91.J32.d7.20	37	porc	-	-	21.2	30,7	-
K31.d18.4	38	porc	-	-	-	29.5	26.3
I29.d30.2	39	sanglier	-	62.8	-	-	-
L31.d11.6	38-39	porc	-	42.5se	-	-	-
J26.d19.2	46-43	sanglier	-	-	-	cf35	cf30

<i>talus</i>	couche	Observ.	Le	Li	Ee	Ei	DTt
G88.J28.d6.3	37	sanglier	-	46,5	27,2	28,6	28,1
IJ33.d7.1	38	porc	-	-	cf21.5	24,5	-
I30.d42.6	43-47	porc	43,4	39,1	22,8	26,4	25,5

<i>calcaneus</i>	couche	Espèce	Etat	Lmax	DT
G90.J12.d19.13	36 à 34	porc	eec	66.7	cf19
G91.J32.11.d25	37	porc	-	-	21
G89.I31.d10	37	porc	-	-	22.4
G92.I30.d25.11	37	sanglier?	-	-	25.3
G89.J30.d11	37	sanglier?	-	-	27.2
G89.J32.d12	37	sanglier?	-	-	28.6
G86.J30.d12	37	sanglier?	-	-	29.1
G86.J30.d12	37	sanglier?	-	-	29.3
J30.d11.11	40	sanglier	-	>83.5	26.7
K25.d20.6	44 (F418)	porc	-	77.4	21.2

<i>métatarsien III</i>	couche	Espèce	Lmax	DTP	DTD
G91.J32.d11.5	37	sanglier?	-	16,6	-
K28.d12.2	42	sanglier	>93.5	20	>22.3
J26.d20	46	sanglier	-	17,4	-

<i>métatarsien IV</i>	couche	Espèce	Etat	DTP
G91.K16.d50	36 à 34	porc?	-	15,5
G91.J17.d49.5	36 à 34	porc?	-	16
G91.J31.d10.15	37	sanglier	-	>18
G91.J32.8	37	Sus sp.	J?	11,5

<i>métatarsien V</i>	couche	Espèce	Lmax	DTD
L28.d19a.2	41	sanglier	75,7	11,3

<i>phalange I</i>	couche	Espèce	Etat	Lmax	DTP	DTmd	DTD
G85.K21.d17	36 à 34	sanglier	-	-	-	-	17,4
G85.K22.d15	36 à 34	Sus sp.	ne	35,9	15,5	13,2	15,3
G88.K30.d6	37	porc	petit	30,1	13,5	8,9	9,5
G91.J32.d7	37	porc	eec	32,6	cf15.3	10,8	-
G91.K31.d15	37	porc	-	37,4	16,6	12,7	15,5
G91.J31.d10	37	sanglier	-	-	19	-	-
G86.J30.d12	37	sanglier	-	45,4	20,6	15,7	18,3
G88.K30.d6.29	37	sanglier	eec	46,4	19,3	16,4	17,5
J30.d9.6	39	porc	-	35,3	16,3	14	16,2
K24.d39.4	40	sanglier	-	40,5	20,5	15,3	17,7
L29.d20.7	42	sanglier	-	49,7	21,3	17,5	19,5
I28.d42b	43	sanglier	-	-	19,1	-	-
K31.d23.2	46	sanglier	-	40,5	18,2	14,1	16,9

<i>phalange I lat.</i>	couche	Espèce	Lmax	DTP	DTmd	DTD
L25.d16.38	40	porc	21,5	10	7	7,7
K28.d17.4	47	sanglier	27,5	13,5	9,3	10
I23.d39.1	43-49	sanglier	27	12	8,4	8,4

<i>phalange II</i>	couche	Espèce	Etat	Lmax	DTP	DTmd	DTD
G85.K21.d16.8	36 à 34	sanglier	-	cf31	18,2	15	15,3
G91.K13.d25	36 à 34	sanglier ?	ne	-	-	14,6	-
G94.I31.d14	37	Sus sp.	ne	13,2	9,3	8,2	7,9
G94.I32.d13	37	porc	épi	16,1	10,7	9,3	9,7
G91.L29.d9.1	37	porc	épi	18,6	11,4	10	10,7
G91.K32.13	37	porc	épi	18,7	12	10,4	11
G91.K31.d11.AA	37	porc	eec	22,4	14,2	10,6	11,2
J25.d14.5	40	porc	-	20,7	16,5	13,7	15,2
K28.d13.1	43	sanglier	-	29,3	23,2	18,6	22
K32.d21	45-43	sanglier	-	29,2	19,4	14,8	15,9
K32.d24.8	46	sanglier	-	27,6	18,7	14,8	16,2

<i>phalange II lat</i>	couche	Espèce	Lmax	DTP	DTmd	DTD
K28.d8	39	porc	14	8,8	8	8,1
L29.d20	42	sanglier?	16,9	13,3	11,8	12
J27.d18.7	44	sanglier?	15,9	12,3	10,8	11,9

<i>phalange III</i>	couche	Espèce	Etat	Ldiag. s.	Ld	DTs
G92.I25.d27.A	36 à 34	Sus sp.	J	16.7	14.6	cf5
G92.H22.d51.A	36 à 34	Sus sp.	J?	>21.7	cf18.7	4.2
G92.I15.d53	36 à 34	porc	-	27.8	27.2	7.1
G92.K15.d53.4	36 à 34	porc	-	29.2	28.3	7.5
G90.J13.d20	36 à 34	porc	-	30	28.6	7.3
G94.I31.d12	37	Sus sp.	J?	-	-	7,6
G86.J30.d12	37	Sus sp.	J?	15.3	13.7	4,2
G94.I31.d15	37	Sus sp.	J?	21.4	19.5	9,4
G94.I31.d11.31/2	37	porc	-	25.1	23.8	8,6
G91.J32.d8	37	porc	-	26.1	23,7	8,7
G91.K32.d13.6	37	porc	-	26.5	24	cf 10
G91.L29.d8.6	37	porc	-	27	24,1	12
G88.K27.d9	37	porc	-	29.7	27,6	10,5
G94.I32.d11	37	sanglier	-	38.4	37,4	15,5
G91.L29.d9.21	37	sanglier	-	42.5	40,6	17,2
I25.d32	40	Sus sp.	J/S	21.5	19.3	8.2
L26.d16.2	40	sanglier	-	37.7	36.3	14
L25.d17	41	Sus sp.	J/S	27.1	25.3	9.8
L28.d17	41	sanglier?	-	34.2	32	12.2
L28.d23	42	Sus sp.	J/S	26.6	23.8	9.4
K27.d10	40-42	Sus sp.	-	32	31.7	12.7
L26.d28	44	sanglier?	J/S	33.1	29.9	13.2
J28.d16	46	Sus sp.	-	-	-	11,9
K31.d23	46	Sus sp.	J/S	26.8	25	8.8
K32.d23	46	sanglier	-	-	-	15.3

<i>phalange III lat.</i>	couche	Espèce	Ldiag. s.	Ld	DTs
J28.d16	46	Sus sp.	23.5	21.4	8.8

<i>atlas</i>	couche	Espèce	Etat	Lmax	DTmax	DT f.cr.	DT f.ca.	L f.cr.-ca.	L arc dorsal	Ht
I28.d35.1	40	sanglier	-	>48.5	-	61,5	cf58	47,9	24,5	55,5
K26.d10.21	40-42	Sus sp.	J/S	37,9	>68.6	52,8	47	37,1	17,3	43,6
I29.d45.2	44	sanglier	-	-	-	-	-	-	21,4	52,8

<i>axis</i>	couche	Espèce	Lmax	L arc dorsal	DT f.cr.	DT proc. ca.	Ht
IJ35	38	porc	36.5	31.5	47.5	33.5	cf59
K30.d9.1	39	sanglier	-	-	>=54	cf36	-

Mouton/Chèvre (*Ovis aries*/*Capra hircus*)

<i>crâne</i>	couche	Espèce	Sexe	DAP chev.
K22.d19.25	39-42	mouton	femelle?	35.5

<i>maxillaire</i>	couche	L prémol.
G91.K12.d22.2	36 à 34	23,1
G94.I31.d11.31/2	37	19.9

<i>mandibule</i>	couche	Etat	L prémol.	Ht dev. M1	DAP M3	DT M3
G86.J30.d13	37	-	26	-	-	-
G91.J31.d10.44	37	-	21.4 alv.	-	-	-
G91.L30.d9.56	37	-	-	-	20,2	7,7
K31.d18.10	38	st41-42	cf21	20,5	-	-

<i>mandibule</i>	couche	Etat	L D2-D4	DAP D4	DT D4	Ht dev. M1	DAP M1	DT M1
J31.d19.15	38	st13	28.4	14	6	21.3	-	-
I28.d42.3	42	st14	28.5	13.5	6	22,5	-	-
L30.d32	46	-	29.8	-	-	-	11.8	6.8
K29.d15.18	46	-	30	16.5	5.6	-	-	-

<i>scapula</i>	couche	Espèce	Ht épine	DAPcol	DAPart.	DAPglén.	DTglén.
G94.I31.d15.8	37	-	-	-	-	-	18.6
K29.d8.5	38	chèvre	cf155	19	32.5	25.9	20.9

<i>humérus</i>	Espèce	Etat	DTmd	DTD	DTt
G92.K16.d54.15	36 à 34	dist n.e.	-	26,1	25,0
G94.I15.d51.6	36 à 34	ad	10,2	-	-

<i>radius</i>	couche	Espèce	DTP	DTPart.
L31.d11	38-39	mouton?	30.5	28.2

<i>ulna</i>	couche	Espèce	DAPancon.	DAPoléc.	DTart.
IJ35	38	chèvre	24,7	20,5	18,5
J31.d19.20	38	-	23	19	15

<i>métacarpien</i>	couche	DTmd	DAPmd	DTD
G91.K12.d25	36 à 34	-	-	24,8
J30.d12.3	41	12,4	9	-
L30.d20.24	42	10	9	-

<i>coxal</i>	couche	Ht col	Li f.o.
Néo final	37	-	34,5
L29.d20	42	11.5	-

<i>fémur</i>	couche	DAPt
K32.d19	38	19.6

<i>tibia</i>	couche	Espèce	Lmax	DTmd	DTD	DAPD
G91.K16.d52.6	36 à 34	-	-	-	27,4	-
G91.K31.d11.36	37	-	>201.5	13.1	25.3	-
J32.d19.3	38	mouton	-	14,5	-	-
K31.d17.3	38	chèvre?	-	-	-	-
I28.d35.2	40	mouton	-	13,5	24	18,8
J30.d12.2	41	-	-	12	-	-
J30.d40	42	-	-	-	cf23.5	cf17.6
J33.d10	39-42	-	-	-	23,3	18,2

<i>talus</i>	couche	Le	Li	Ee	Ei	DTt
G90.J13.d18	36 à 34	25.8	25	14.7	15.2	15.4
G91.J13.d22.A	36 à 34	28.3	26.5	15.7	15.4	17.8
Néo final	37	26.2	25.1	14.5	15.6	16.5

<i>calcaneus</i>	couche	Lmax	DT
G91.K13.d23	36 à 34	49,1	16,4
G90.J12.d21	36 à 34	50,7	17,6

<i>métatarsien</i>	couche	DTP	DTmd
G94.I32.20	37	cf 16.7	10,4
G91.J31.d10.4	37	19,1	12,4
L27.d33.1	46	-	10,6

<i>phalange I</i>	couche	Espèce	Lmax	DTP	DTmd	DTD
G91.I15.d47	36 à 34	-	-	-	-	9,3
G91.J17.d48.2	36 à 34	-	32,9	11,7	9,6	11,4
G92.H18.d50	36 à 34	-	-	-	-	11,4
G91.K12.d23	36 à 34	-	35,1	10,4	7,1	-
G94.I31.d11.31/2	37	-	-	14,2	-	-
K30.d8.14	38	mouton	38,1	12	9,7	11,2
K30.d8.16	38	mouton	38,5	11,5	9,5	10,8
I26.d38	40	-	-	12,2	-	-
K28.d12.4	42	-	-	14,2	-	-
J13.d28.1	39-42	-	34,6	12,9	-	-
K30.d15	43-45	mouton	32,9	11,9	9	10,9
J30.d15	43-45	mouton	31,2	10,9	9,5	10,4

<i>phalange II</i>	couche	Espèce	Lmax	DTP	DTmd	DTD
G91.K15.d52	36 à 34	?	27,4	10,6	7	7,3
G92.J17.d53.4	36 à 34	-	20,9	11,8	8,7	9,4
K30.d8.15	38	mouton	22,9	11,4	9	9,2
K30.d8.13	38	mouton	23,7	11,2	8,5	8,7
IJ35	38	chèvre	25,3	13,7	9,9	-
K28.d9.3	39	mouton	19,1	10,5	8,1	8,6
K28.d9.4	39	mouton	19,1	9,7	6,9	7,6
I24.d34	43	sauv?	-	-	-	12,5

<i>phalange III</i>	couche	Espèce	Ldiag. s.	Ld	DTs
IJ35	38	chèvre	28.6	22.8	5

**aurochs? (bos primigenius)**

<i>radius</i>	couche	DTmd	DTD	DTDart.
G94.I32.d15.5	37	-	75,5	67,5
G91.J32.d13.8	37	-	81,3	75,6
G91.K31.d12.3	37	56,5	80,8	74,4

<i>talus</i>	couche	Le	Li	Ee	Ei	DTt
G88.K30.d6.19	37	71,8	65,3	40,3	40,3	45,1

**Boeuf (Bos taurus)**

<i>maxillaire</i>	couche	L jugales	L molaires	L prémol.	DAP M3	DT M3	DAP M2	DAP M1
K26.d20.4	46	139.5	87.2	52.8	30.8	19.7	28.3	23.7

<i>mandibule</i>	couche	Etat	DAP M3	DT M3	DAP M2	DT M2	DAP M1	DT M1
IJ33-34.d9	38	st $\geq$ 37	37.5	13.5	-	-	-	-
J30.d11.10	40	st $\geq$ 34	-	-	-	-	25.3	15.2
J25.d20.11	44	st42-47	-	-	28,5	16,8	-	-
J28.d16.6	46 (faille)	st46-47	41,0	17,2	27,4	17,4	-	-

<i>mandibule</i>	couche	DAP D4	DT D4
J34.d9	38	27.5	14.5
J32.d19	38	25,0	12,5

<i>scapula</i>	couche	Etat	DAP col	DAPart.
G86.J30.d12	37	-	-	57.4
J31.d19.11	38	J/S	38.5	-

<i>humérus</i>	couche	Etat	DTmd	DTD	DTt
F180	F180	-	-	77,7	73,6
G94.I32.d15.11	37	-	31.5	71.7	-
G91.L30.d9.84	37	-	-	73.2	65.5
K30.d16	46	eec	-	-	>65

<i>radius</i>	couche	DTP	DTPart.
K31.d19.7	38	80	cf73

<i>radius-ulna</i>	couche	état	DTD	DTDart.
L30.d16.2	40	ne	68	60
J29.d16	46	ne	67.5	61.5

<i>métacarpien</i>	couche	DAPmd	DTD
G91.J31.d11.16	37	20.7	-
G88.K30.d6.1	37	-	>56.3
K29.d15.15	46	21	52.7

<i>coxal</i>	couche	L acet.	Ht col	DT col
G94.I31.d15.10	37	48,0	-	-
G91.J30.d9.30	37	47,0	-	-
G94.I32.d12.1	37	-	42.5	23.6
G91.J31.d11.2	37	60,3	-	-

<i>fémur</i>	couche	DAP tête
L29.d23.5	42	46

<i>tibia</i>	couche	DTD	DAPD
G91.K12.d22.8	36 à 34	52,4	-
G91.J31.d7.13	37	52	39.4

<i>talus</i>	couche	Etat	Le	Li	Ee	Ei	DTt
K29.d8.1	38	J/S	cf52	48.6	29	27.5	cf31.5
K23.d39.4	40	-	68,1	60,7	36,8	40,5	44,2

<i>calcaneus</i>	couche	DT
G91.J31.d10.28	37	42.1
G94.I31.d15.19	37	42.3
G94.I32.d17.4	37	46.4

<i>naviculo-cub.</i>	couche	DT
K27.d10	40-42	$\geq$ 51.5



<b>métatarsien</b>	couche	DTP	DAPP	DTmd	DAPmd	DTD
G91.J15.d48.5	36 à 34	46,4	-	-	-	-
G92.K16.d53.3	36 à 34	-	-	24,5	-	49,7
G85.K22.d16.7	36 à 34	-	-	-	-	51,6
G94.I31.d15.15	37	52,3	50	-	-	-
J30.d11.1	40	-	-	-	24	(61.5 Pa)
L26.d20.10	42	40,5	39,3	-	-	-

<b>phalange I</b>	couche	Etat	Lmax	DTP	DTmd	DTD
G88.J30.d12	37	-	51.5	25.8	20.6	24.3
G91.K31.d11.30	37	-	51.8	31.2	23.6	28.6
G94.I31.d11.31/2	37	-	54.5	31.2	24.4	-
G91.J31.d7.1	37	-	57,6	26,3	21,4	24,2
G94.I31.d15.23	37	App.1	63,4	32,4	23,3	28,2
G91.J32.d11.6	37	App.2	(67 Pa)	32,1	24,7	29,7
K32.d18.2	38	-	51.7	27.8	22.5	26.5
L27.d25.10	43 (faille)	-	54.7	30.4	24.5	27.3
L28.d32	46	-	62,9	29,5	24,3	28,3

<b>phalange II</b>	couche	Etat	Lmax	DTP	DTmd	DTD
G92.H22.d51	36 à 34	-	-	-	16,4	19,4
G91.K17.d51.2	36 à 34	-	-	27,8	22	23,9
G92.I18.d50.3	36 à 34	-	-	31	24,7	27,7
G88.K30.d6	37	-	-	23.1	-	-
G91.K32.d11	37	App.1	40.3	27	20.8	22.8
G91.K32.d7	37	App.2	(>40.5Pa)	31	22.7	25.3
G91.J32.d11.8	37	-	(>42.4Pa)	(34.1Pa)	24.8	27.5
G94.I31.d15.29	37	App.3	(48Pa)	31.7	25.8	26.3
K32.d17.12	38	-	34,8	27,5	22,7	25,4
L28.d23.5	42	-	39	29.8	23.2	25.4
K29.d14	44	-	38.3	27	22.2	23.7
J30.d16	46	-	37,2	28,4	21,8	24,5

<b>phalange III</b>	couche	Etat	Ldiag. s.	Ld	DTs
G91.H15.d50.A6	36 à 34	Sub	45.3	33.6	10.7
G91.K15.d41ou47.	36 à 34	Sub	46.7	33.7	12.6
G91.J32.14.1	37	App.1	-	-	21.5
G91.J31.d10.32	37	App.3	76.2	>60	25.5
I29.d37.3	40	-	70,3	54,8	20,8
K30.d15.5	44	-	67,8	52,8	20,5

<b>Sacrum</b>	couche	DT f.cr.	Ht f.cr.
K22.d18.58	39-42	58,2	28

**Cerf (Cervus elaphus)**

<i>humérus</i>	couche	DTD	DTt
IJ33.d9	38	60,0	cf51

<i>radius</i>	couche	DTP	DTPart.	DTDart.
K22.d19.23	39-42	52,0	50,0	-

<i>radio-ulna</i>	couche	DTmd	DTD	DTDart.
J28.d17.1-F408	47	37,5	60,5	57

<i>métacarpien</i>	couche	DAPP	DTmd
I26.d39.5	41	31,3	-

<i>tibia</i>	couche	DTD	DAPD
L26.d21.15	42	50,5	40,5

<i>talus</i>	couche	Le	Li	Ee	Ei	DTt
K29.d14.4	44	56,5	53,1	30,1	31,1	35,2

<i>métatarsien</i>	couche	DTP	DAPmd	DTD	DAPD
K32.d19.1	38	-	cf22	45,0	28,3
J25.d20	44	35,5	-	-	-

<i>phalange I</i>	couche	Etat	Lmax	DTP	DTmd	DTD
G91.K13.d22.9	36 à 34	épi?	49,0	19,0	13,9	16,7
IJ35	38	-	56,5	21,6	16,9	19,2
K28.d11.2	40-41	-	-	-	-	19,0
K28.d14.2	44	-	-	-	-	22,1
L26.d29.3	44	-	-	-	-	18,3
L32.d16.10	46	-	-	-	-	21,2

<i>phalange II</i>	couche	Lmax	DTP	DTmd	DTD
L32.d12.3	40-42	-	20,1	-	-
L26.d20.16	42	39,6	18,9	13,5	>17

<i>atlas</i>	couche	Lmax	DT f.cr.	DT f.ca.	L arc dorsal	Ht
K22.d18.5	39-42	108	78	cf77	>=62.5	>=67
L30.d20.17	42	-	env.80	-	-	-

**Chevreuil (Capraeolus capraeolus)**

<i>phalange I</i>	couche	L <sub>max</sub>	DTP	DT <sub>md</sub>	DTD
L25.d46a	44		-		9,5

<i>phalange II</i>	couche	L <sub>max</sub>	DTP	DT <sub>md</sub>	DTD
L26.d17	41	28,0	12,3	8,1	8,5

<i>phalange III</i>	couche	L <sub>diag. s.</sub>	L <sub>d</sub>	DT <sub>s</sub>
L28.21	42	-	-	5,5
K27.d14.2	43	26,9	25,2	6,1

**Chat sauvage (Felis silvestris)**

<i>humérus</i>	couche	Lmax	L depuis tête	DTP	DTmd	DTD	DTt
I30.d30.1	39	116,0	113,0	19,0	7,5	22,4	14,5

<i>radius</i>	couche	DTD
I27.d49	46	10,8

<i>ulna</i>	couche	DAPancon.	DAPoléc.
K21.d18.4	39-42	12,7	10,5

<i>coxal</i>	couche	Etat	L acet.	Ht col	DT col
I26.d42.6	42	-	11,5	9,7	4,2

<i>fémur</i>	couche	Etat	L depuis tête	DTmd
L30.d32.15	46	eec?	61,0	6,0

**Ours brun (Ursus arctos)**

<i>radius</i>	couche	Etat	DTmd	DTD
G92.H18.d53.11	36 à 34	Sub	18,7	-
IJ33-34.d9	38	-	-	47,0

<i>métatarsien I</i>	couche	Lmax
J30.d9	39	cf61.2

<i>phalange III</i>	couche	Lmax
G92.K16.d53.8	36 à 34	37,0

**Blaireau (Meles meles)**

<i>mandibule</i>	couche	Etat	L molaires	L prémol.	L P2-P4	DAP M1	DT M1	DAP M2	DT M2	Ht p.a.-cor.	Ht derr. M1	Ht derr. P2	LCp-M3p	DAP Calv.
L28.d21.4	42	app.1	21,2	-	-	15,7	7,5	-	-	36,4	15,6	-	-	-
L28.d42b.10	43	-	21,5	-	-	-	-	-	-	-	15,0	-	-	14,5
K32.d21.6	43-45	-	23,0	-	-	17,2	8,4	-	-	40,6	-	-	-	17,0
L25.d32	46	app.1	21,2	-	-	15,9	7,5	-	-	-	15,3	-	-	-
L25.d34.8	47	-	-	-	-	-	-	-	-	35,3	14,5	-	-	-
L26.d34.5	47	-	21,7	19,5	17,3	16,8	8,0	5,0	5,8	35,0	14,8	15,5	41,4	16,4

<i>scapula</i>	couche	Etat	DAPeol	DAPart.	DAPglén.	DTglén.
G92.I26.d27.A	36 à 34	Juv?	18,0	19,8	14,5	10,9
G86.J30.d12	37	Juv.	14,0	16,4	10,0	8,4
K27.d17.1	43	-	cf19.5	-	19,3	12,3

<i>métacarpien I</i>	couche	Lmax	DTD
G92.H22.d51.1	36 à 34	22,2	-
L30d.16.2	40	22,4	5,2

<i>métacarpien V</i>	couche	Lmax	DTD
K21.d18.9	39-42	env.29.5	-

<i>tibia</i>	couche	Lmax	DTP	DTmd	DTD	DAPD
J28.d16.10	46	97,5	24,0	7,3	18,2	12,3

<i>talus</i>	couche	Etat	Lmax
L31.d16	46	brûlé partiel.	20,6

<i>métatarsien I</i>	couche	Lmax	DTD
I25.d49	46	26,5	4,4

<i>métatarsien II</i>	couche	Lmax	DTD
I31.d24.8	46	33,3	7,2
I24.d36	46-47	31,7	5,9

<i>métatarsien III</i>	couche	Lmax	DTD
L30d.19.2	41	33,5	5,9

<i>métatarsien IV</i>	couche	Lmax	DTD
I26.d44	44	31,6	7,7

<i>phalange I</i>	couche	Lmax	DTP	DTmd	DTD
G91.I15.d49	36 à 34	cf13.4	cf6.7	3,4	4,7
J26.d10	40-42	13,7	6,5	3,8	5,3
L27d29	44	13,6	7,6	4,5	5,5

**Martre ou fouine (Martes sp.)**

<i>mandibule</i>	couche	L cond.-Cp	L i.a.-Cp	L p.a.-Cp	LCp-M2p	LP2-M2	L molaires	L prémol.	L P2-P4	DAP M1	DAP M1alv.	Ht derr. M1	Ht derr. P2
K27.d17.1	43	46,4	43,2	43,4	28,5	27,2	12,8	16,3	14,9	9,4	9,0	9,1	8,5

<i>scapula</i>	couche	DAPcol	DAPart.	DAPglén.	DTglén.
I27.d43	43	11,0	11,2	9,5	6,7

<i>humérus</i>	couche	Lmax	L depuis tête	DTP	DTmd	DTD	DTt
J27.d18.1	44	66,0	66,0	11,5	4,5	14,2	10,3

<i>ulna</i>	couche	DAPancon.	DTart.
J31.d19	38	10,5	7,0

<i>coxal</i>	couche	L acet.	Ht col	DT col
I25.d17.19	41	9,2	8	3,5
I25.d46a	44	-	7,9	-

<i>calcaneus</i>	couche	Lmax
I27.d39	41	17,6
K29.d15	46	20,0

<i>métatarsien IV</i>	couche	Lmax	DTD
I27.d40	41	34,8	4,5

<i>atlas</i>	couche	DT f.ca.
I30.d37	40	13,9

**Putois (*Mustela putorius*)**

<i>mandibule</i>	couche	DAP M1	DT M1
L28.d17	41	8,5	3,0



**Chien (Canis familiaris)**

<i>fémur</i>	Etat	couche	DTmd
G86.J30.d12	prox eec	37	10

**Renard (Vulpes vulpes)**

<i>maxillaire</i>	couche	DAP P4	DT P4	DAP C	DT C	Ht C
IJ33-34.d9	38	12,8	5,5	5,8	3,7	24,5

<i>mandibule</i>	couche	Ht C
L32.d16.14	46	28,5

<i>ulna</i>	couche	DAPancon.	DAPoléc.	DTart.
I29.d31	39	18,0	15,3	11,5

<i>fémur</i>	couche	Lmax	L depuis tête	DTP	DAP tête	DTmd	DTD
G88.K30.d7.25	37?	113,0	-	22,3	10,6	8,1	18,9
J30.d9.8	39	112,5	112,5	22,5	10,6	8,2	18,9

<i>talus</i>	couche	Lmax
I29.d41	42	18,0
J32.d21	43-45	19,8

<i>calcaneus</i>	couche	Lmax
L32	38-39	32,5

<i>métatarsien III</i>	couche	Lmax	DTD
L26.d28	44	63,6	6,1

<i>phalange I</i>	couche	Lmax	DTP	DTmd	DTD
K26.d10	40-42	23,2	5,7	3,0	4,2

**Castor (Castor fiber)**

<i>scapula</i>	couche	Etat	DAPcol	DAPart.	DAPglén.	DTglén.
G92.H18.d53.17	36 à 34	-	13,3	22,0	12,3	12,6
G92.I15.d53.5	36 à 34	-	11,5	-	13,3	11,0
G86.J30.d12	37	J, prox n.e.	11,0	15,5	-	10,4
G88.K30.d7.3	37	-	12,4	-	12,2	12,2
G91.L30.d8.13	37	-	13,0	-	12,4	12,5

<i>ulna</i>	couche	Etat	DTart.
G91.K31.d7.3	37	-	11,2
G91.J31.d11.12	37	J, prox n.e.	12,4
G94.I31.d14.8	37	dist n.e.	12,8

<i>fémur</i>	couche	Etat	Lmax	DTP	DAPt	DTD
G91.J32.d13.1	37	dist eec	110,0	44,6	cf15.9	43.1
G94.I32.d15.16	37	n.e.	>113.5	>42.7	>16.9	>38.4

<i>tibia</i>	couche	Etat	Lmax	DTP	DTmd	DTD	DAPD
G91.J31.d13.3	37	dist eec	135,0	-	12,9	21,3	18,7
G91.L30.9.58	37		-	-	13,1	24,7	19,3
G91.J32.d13	37	prox eec	-	36,0	-	-	-

**Lièvre brun (*Lepus europaeus*)**

<i>coxal</i>	couche	L acet.	L symphyse	Ht col
K29.d8.3	38	12	24,5	10,5

<i>fémur</i>	couche	DTD
IJ33.d9	38	19.3